

Bactérias intestinais contribuem para o desenvolvimento da dor crônica

A fibromialgia (FM) é uma síndrome que atinge milhões de pessoas no mundo. Essa síndrome é caracterizada por dor crônica generalizada, fadiga e distúrbios no sono. Identificar o correto diagnóstico e determinar uma conduta terapêutica efíci

DOL — Dor On Line · Boletim Científico sobre Dor · ISSN 2446-6670

A fibromialgia (FM) é uma síndrome que atinge milhões de pessoas no mundo. Essa síndrome é caracterizada por dor crônica generalizada, fadiga e distúrbios no sono. Identificar o correto diagnóstico e determinar uma conduta terapêutica eficiente são grandes desafios encontrados entre os especialistas. Pesquisadores da Universidade McGill, no Canadá, publicaram um estudo pioneiro demonstrando a relação das dores crônicas e a microbiota intestinal. Esse estudo identificou 20 espécies diferentes de bactérias que são encontradas nos pacientes com FM. Os resultados demonstraram que as análises dos microbiomas de 77 pacientes com FM e 79 pacientes saudáveis tiveram diferenças nos níveis sérico dos metabólitos de butirato e propionato em doentes com FM. Os resultados desse estudo abrem caminhos para novos mecanismos voltados para o entendimento da fisiopatologia da FM e auxilia no diagnóstico para novas abordagens terapêuticas. Referência: Minerbi A, Gonzalez E, Brereton NJB, Anjarkouchian A, Dewar K, Fitzcharles MA, Chevalier S, Shir Y. Altered microbiome composition in individuals with fibromyalgia. Pain. 2019 Jul 2. doi: 10.1097/j.pain.0000000000001640. Alerta submetido em 20/08/2019 e aceito em 20/08/2019.

Fonte: novo.dol.inf.br/materia/bacterias-intestinais-contribuem-para-o-desenvolvimento-da-dor-cronica · Conteúdo do Boletim DOL — Dor On Line. Reprodução permitida mediante citação da fonte.

DOL - DOR ON LINE